

Nom EES	: ESSBO
Département	: Département du Second Cycle

SYLLABUS DE LA MATIERE (à publier dans le site Web de l'institution)
Génomique et Protéomique

ENSEIGNANT DU COURS MAGISTRAL		MAHAMMI Fatima Zohra			
		Réception des étudiants par semaine			
Email	fmahammi@gmail.com	Jour :	Lundi	heure	12h00
Tél de bureau	0776082414	Jour :	Mercredi	heure	12h00
Tél secrétariat		Jour :		heure	
Autre		Bâtiment :	Bloc C	Bureau :	Common room

TRAVAUX DIRIGES (Réception des étudiants par semaine)							
NOMS ET PRENOMS DES ENSEIGNANTS	Bureau/salle réception	Séance 1		Séance 2		Séance 3	
		jour	heure	jour	Heure	jour	heure
MAHAMMI Fatima Zohra	Common room	Lundi	12h00	Mercredi	12h00		

TRAVAUX PRATIQUES (Réception des étudiants par semaine)							
NOMS ET PRENOMS DES ENSEIGNANTS	Bureau/salle réception	Séance 1		Séance 2		Séance 3	
		jour	heure	jour	heure	jour	heure

DESCRIPTIF DU COURS	
Objectif	Les progrès des technologies et de l'informatique utilisées pour générer et traiter de grands ensembles de données biologiques (données omiques) favorisent un changement critique dans l'étude des sciences biologiques et biotechnologiques. Les objectifs de cette matière sont de fournir des connaissances introductives concernant la génomique, la transcriptomique, la protéomique et leurs applications.
Type Unité Enseignement	Fondamentale
Contenu succinct	Données introductives concernant la génomique, la transcriptomique, la protéomique et leurs applications.
Crédits de la matière	04
Coefficient de la matière	02
Pondération Participation	10%
Pondération Assiduité	10%
Calcul Moyenne C.C	(moyenne tests & travail personnel /15) + Assiduité / 05
Compétences visées	Acquérir les connaissances permettant de comprendre les avancées en génomique, transcriptomique et protéomique et leurs applications.

EVALUATION DES CONTROLES CONTINUS DE CONNAISSANCES							
PREMIER CONTROLE DE CONNAISSANCES							
Jour	Séance	Durée	Type (1)	Doc autorisé (Oui, Non)	Barème	Echange après évaluation (date Consult. copie)	Critères évaluation (2)
13/11/23	T	1h	E	Non	20	08/01/2024	AS
DEUXIEME CONTROLE DE CONNAISSANCES							
Jour	Séance	Durée	Type (1)	Doc autorisé (Oui, Non)	Barème	Echange après évaluation (date consultation copies)	Critères évaluation (2)
18/12/23		1h		Non	20	08/01/2024	AS

(1) Type : E=écrit, EI=exposé individuel, EC=exposé en classe, EX=expérimentation, QCM

(2) Critères évaluation : A=Analyse, S=synthèse, AR=argumentation, D=démarche, R=résultats

EQUIPEMENTS ET MATERIELS UTILISES	
Adresses Plateformes	http://elearning.essb-oran.edu.dz/
Noms Applications (Web, réseau local)	Moodle
Polycopiés	Polycopie et Support de cours
Matériels de laboratoires	/
Matériels de protection	/
Matériels de sorties sur le terrain	/

LES ATTENTES	
Attendues des étudiants (Participation-implication)	Assiduité Participation Rigueur Implication
Attentes de l'enseignant	Adoption d'une attitude d'analyse et de synthèse. Établissement des relations entre les différents chapitres ainsi qu'entre les différentes matières.

BIBLIOGRAPHIE	
Livres et ressources numériques	Tagu, D., & Jaubert-Possamai, S. (2018). <i>Principes des techniques de biologie moléculaire et génomique: 3e édition revue et augmentée</i> . Quae.
Articles	- Horgan, R. P., & Kenny, L. C. (2011). 'Omic' technologies: genomics, transcriptomics, proteomics and metabolomics. <i>The Obstetrician & Gynaecologist</i>, 13(3), 189-195. - Kiechle, F. L., & Holland-Staley, C. A. (2003). Genomics, transcriptomics, proteomics, and numbers. <i>Archives of pathology & laboratory medicine</i>, 127(9), 1089-1097. - Baldrian, P., & López-Mondéjar, R. (2014). Microbial genomics, transcriptomics and proteomics: new discoveries in decomposition research using complementary methods. <i>Applied microbiology and biotechnology</i>, 98, 1531-1537. - Romero, R., Espinoza, J., Gotsch, F., Kusanovic, J. P., Friel, L. A., Erez, O., ... & Tromp, G. (2006). The use of high-dimensional biology (genomics, transcriptomics, proteomics, and metabolomics) to understand the preterm parturition

	syndrome. <i>BJOG: An International Journal of Obstetrics & Gynaecology</i>, 113, 118-135. - Manzoni, C., Kia, D. A., Vandrovcova, J., Hardy, J., Wood, N. W., Lewis, P. A., & Ferrari, R. (2018). Genome, transcriptome and proteome: the rise of omics data and their integration in biomedical sciences. <i>Briefings in bioinformatics</i>, 19(2), 286-302. - Muleo, R., Morgante, M., Cattonaro, F., Scalabrin, S., Cavallini, A., Natali, L., ... & Kalaitzis, P. (2016). Genome sequencing, transcriptomics, and proteomics. <i>The Olive Tree Genome</i>, 141-161. - Ogunjobi, T. T., Ohaeri, P. N., Akintola, O. T., Atanda, D. O., Orji, F. P., Adebayo, J. O., ... & Adedeji, O. O. (2024). Bioinformatics Applications in Chronic Diseases: A Comprehensive Review of Genomic, Transcriptomics, Proteomic, Metabolomics, and Machine Learning Approaches. <i>Medinformatics</i>. - ...
Polycopiés	En cours d'élaboration
Sites Web	

Cachet humide du département

